

- (ATP7B): population frequencies, genotype-phenotype correlation, and functional analyses. *Am J Hum Genet* 1997;61:317-28.
21. Escamilla MA, McInnes LA, Service SK, Spesny M, Reus VI, Molina J, et al. Genome screening for linkage disequilibrium in a Costa Rican sample of patients with bipolar-I disorder: a follow-up study on chromosome 18. *Am J Med Genet* 2001;105:207-13.
  22. Escamilla M, Raventos H, Almasy L, Montero P, Balderas T, Rodríguez S, et al. Linkage disequilibrium analysis of schizophrenia and schizoaffective disorder in the Costa Rican population: preliminary findings on chromosome 13. *Am J Med Genet* 2001;105:599.
  23. Nurnberger JI Jr, Blehar MC, Kaufmann CA, York-Cooler C, Simpson SG, Harkavy-Friedman J, et al. Diagnostic interview for genetic studies. Rationale, unique features, and training. NIMH Genetics Initiative. *Arch Gen Psychiatry* 1994;51:849-59
  24. Medina RA, Escamilla MA, Armas R, Levinson D, Dassori A, Contreras S, et al. Diagnostic reliability in a study of schizophrenic (SC) subjects from the Costa Rican population. *Am J Med Genet* 2001; 105: 599.
  25. Johnson, D.A.W. The Significance of depression in the prediction of relapse in chronic schizophrenia. *Br J Psychiatry* 1988;152: 320-3.
  26. Birchwood M, Iqbal Z, Chadwick P, Upthegrove R. Psychological pathways to depression in schizophrenia. *Eur Arch Psychiatry Clin Neurosci* 2005; 255:202 – 212.
  27. Duke PJ, Pantelis C, McPhillips MA, Barnes TR. Comorbid non-alcohol substance misuse among people with schizophrenia: epidemiological study in central London. *Br J Psychiatry* 2001;179:509-13.
  28. Duke PJ, Pantelis C, McPhillips MA, Barnes TR. Comorbid non-alcohol substance misuse among people with schizophrenia: epidemiological study in central London. *Br J Psychiatry* 2001; 179:509-13.

## Costa Rica en el exterior

### La exposición a los ácaros del polvo doméstico modifica el efecto funcional de polimorfismos de IL-10 en las exacerbaciones de la alergia y el asma

Hunninghake GM, Soto Quirós ME, Lasky Su J, Ly NP, Liang C, Klanderman BJ, Raby BA, Gold DR, Weiss ST, Celedón JC.

*J Allergy Clin Immunol.* 2008

**Antecedentes:** La alergenicidad a la exposición de los ácaros del polvo doméstico podría depender de variantes en el gen de la IL10.

**Objetivos:** Evaluar si la exposición a los ácaros del polvo doméstico modifica el efecto de polimorfismos de nucleótido simple.

**Métodos:** Se determinó el genotipo 6 SNP en IL10 de 417 niños costarricenses y 503 niños caucásicos del Childhood Management Program (CAMP, por sus siglas en inglés) con antecedentes de asma en sus progenitores. Se utilizaron enfoques familiares y demográficos para evaluar la interacción entre IL10 SNP y el alérgeno del ácaro del polvo doméstico en suero IgE para los ácaros del polvo doméstico en Costa Rica y exacerbaciones del asma en ese mismo país y el CAMP.

**Resultados:** La exposición a los ácaros del polvo doméstico modifica significativamente la relación entre 3 SNP en IL10 (rs1800896, rs3024492 y rs3024496) e IgE al ácaro del polvo doméstico en Costa Rica (P por interacción, .0004 para SNP rs1800896). Para cada uno de estos SNP, el homocigoto para el alelo recesivo se asoció con niveles incrementados de IgE a los ácaros del polvo doméstico con un aumento en la exposición a éstos últimos. El homocigoto para el alelo recesivo de cada uno de los 3 SNP se asoció con el creciente riesgo de recurrencia (aumentó aproximadamente entre 3 y 39 veces) y la frecuencia de las exacerbaciones del asma en los niños expuestos a  $\geq 10$  mug/g del alérgeno del ácaro del polvo doméstico en Costa Rica. Se obtuvo resultados similares para 2 de estos SNP (rs1800896 y rs3024496) en los niños del CAMP.

**Conclusión:** Los hallazgos apuntan a que los niveles del alérgeno del ácaro del polvo doméstico modifican el efecto del IL10 SNP en las exacerbaciones de la alergia y el asma y en parte podrían explicar descubrimientos conflictivos en este campo.

### La rápida depuración del virus del papiloma humano y las implicaciones para el enfoque clínico en infecciones persistentes

Rodríguez AC, Schiffman M, Herrero R, Wacholder S, Hildesheim A, Castle PE, Solomom D, Buró R, Proyecto Epidemiológico Guanacaste Group.

*J Natl Cancer Inst* 2008; 100: 513-517.

División de Epidemiología y Genética del Cáncer, Instituto Nacional del Cáncer, 6120 Executive Blvd., EPS, Rm 5032, Rockville, MD 20852, EEUU. rodrigac@mail.nhi.gov

Los profesionales de la salud y el público necesitan entender la historia natural de las infecciones por el virus del papiloma humano (HPV) para el mejor uso de la información proporcionada por la nueva selección de pruebas moleculares. Se investigaron los resultados de 800 infecciones carcinogénicas de HPV en 599 mujeres inscritas en una cohorte basada en población (Guanacaste, Costa Rica). Para las infecciones individuales, se calcularon proporciones acumulativas de tres resultados (depuración viral, persistencia sin neoplasia intraepitelial cervical grado 2 o peor [CIN2+] o persistencia con diagnóstico nuevo de CIN2 cada 6 meses durante los primeros 30 meses de seguimiento. Se evaluaron especímenes cervicales para genotipos carcinogénicos de HPV por medio del método de reacción en cadena de polimerasa en presencia de cebadores redundantes L1. Las infecciones desaparecieron típicamente se eliminaron con rapidez, 67% (95% de intervalo de confianza [CI] = de 63% a 70%) de 12 meses. No obstante, entre las infecciones que persistieron en por los menos 12 meses, el riesgo de diagnóstico CIN2+ fue de 21% (95% CI= de 15% a 28%). El riesgo de diagnóstico CIN2+ a los 30 meses fue el más alto entre las mujeres menores de 30 años con 16 infecciones por HPV lo que persistieron al menos durante 12 meses (53%; 95% CI = de 29% a 76%). Estos resultados indican que la comunidad médica debería enfatizar la persistencia de infección cervical por HPV, la detección de HPV en un solo momento, en las estrategias de manejo y mensajes de salud.